

南方科技大学

硕士研究生导师遴选申请表

姓 名	李贵鹏
申报一级学科名称	生物学
所 在 院（系）	前沿与交叉科学研究院

南方科技大学研究生院学位办制

年 月 日（填）

填 表 说 明

- 一、 本表应由申报者本人填写，用“宋体”五号字体。
- 二、 近 5 年是指自 2014 年 5 月 1 日起至今。
- 三、 本表填写时，所有列表均可增列。
- 四、 I-1 从事高等教育及科研工作经历“任职”是指当时本人所担任的专业技术职务（职称）和行政职务。
- 五、 II-1 近 5 年发表（含在线发表）的代表性学术论文，应按时间顺序由近及远填写。备注栏中请填写刊物分区、检索情况、影响因子、SCI 他引情况等；署名次序栏中以分数形式“a/b”表示本人在成果中的署名次序，其中，a 表示本人署名第几，b 表示该成果共计有几人署名，如“2/3”即表示“该成果共有 3 人署名，本人排序第 2”；且应附论文首页佐证证明材料。
- 六、 II-2 近 5 年代表性成果转化或应用、II-3 近 5 年取得的主要教学、科研成果、II-4 近 5 年承担的主要科研项目、II-6 近 5 年协助指导研究生情况均需提供证书复印件或项目合同书或相关证明材料。
- 七、 所有证明材料均需加盖院系公章。
- 八、 已设立学位评定分委员会的学院，需对申请资料进行核查并提供审核意见，未设立学位评定分委员会的学院，请参照《南方科技大学研究生指导教师管理规定》第四十条组成评审小组履行学位评定分委员会职责。
- 九、 本表复制（复印时），需保持原格式不变，限用 A4 纸双面打印，左侧双钉装订整齐，提交一式两份。

I 个人概况

姓 名	李贵鹏	性别	男	出生年月	1990 年 8 月
职 称	研究助理教授			入职时间	2017 年 10 月
院系名称	前沿与交叉科学研究院			硕导申报一级学科	生物学
最终学位或最后学历 (包括学校、专业、时间)		博士学位, 清华大学, 生物信息学, 2017 年 7 月			
国内外主要学术兼职					
主要研究方向		生物信息学, 基因调控网络, 表观遗传学			
主要学习经历 (自本科开始填写)					
自何年何月	至何年何月	就读高校		所获学位	
2008 年 9 月	2012 年 7 月	华南理工大学		理学学士学位	
2012 年 9 月	2017 年 7 月	清华大学		工学博士学位	
从事高等教育及科研工作经历					
自何年何月	至何年何月	工作单位及部门		任职	
2017 年 7 月	2017 年 10 月	生物系		高级研究学者	
2017 年 10 月	至今	前沿与交叉科学研究院		研究助理教授	

II 科学研究工作情况

II-1 近5年发表（含在线发表）的代表性学术论文、专著

（论文限填写本人为第一作者或通讯作者的学术论文）

序号	文章名称	刊物名称、卷（期）、页码 /出版社	发表 年月	署名 次序	备注
1	HiCDB: a sensitive and robust method for detecting contact domain boundaries.	Nucleic Acids Research, 46(21), 11239-11250.	2018年 11月	2/4	共同第一作者，影响因子11.561
2	ChIA-PET2: a versatile and flexible pipeline for ChIA-PET data analysis	Nucleic Acids Research, 45(1):gkw809	2016年9 月	1/4	影响因子11.561
3	Advances in computational ChIA-PET data analysis	Quantitative Biology, 4(3): 217~225	2016年9 月	2/6	共同第一作者
4					
5					

注：备注请填写刊物分区、检索情况、影响因子、SCI 他引情况等

II-2 近 5 年代表性成果转化或应用

序号	成果名称	成果类型	主要完成人	转化或应用情况
1				
2				
3				

注：转化或应用的成果包括：发明专利、咨询报告、智库报告、标准制定及其他原创性成果

II-3 近5年取得的主要教学、科研成果

序号	项目名称	成果鉴定、颁奖部门及采用部门	时间	本人排序
1				

2					
3					
II-4 近5年承担的主要科研项目					
序号	项目名称	项目来源	起迄时间	本人承担经费(万元)	本人承担任务(负责人/参与人)
1	人胚胎干细胞诱导分化为原生殖细胞过程中的DNA甲基化重编程研究	国自然科学基金重大研究计划集成项目	2016/01-2016/12	0	参与人
2	4D基因组测序技术与生物信息学方法研究	国自然科学基金面上项目	2017/01-2020/12	8	参与人
3	基于个体化肿瘤数字模型的结直肠癌精准诊疗研发团队	深圳市孔雀团队	2019/01-2023/12	100	参与人
4					
II-5 目前讲授、助教或试讲的课程情况					
序号	年份	主讲、助教或试讲课程名称	课时	授课对象(本科生/硕士/博士)	备注(校内/校外)
1					
2					
3					
II-6 近5年协助指导研究生情况					
序号	起迄时间	学生姓名	学生类型(学硕/专硕/博士)	获学位单位	本人承担任务(导师/副导师)
1	2017年7月-2018年7月	贾富建	学硕	南科大-哈工大	副导师
2	2018年9月-至今	周劭颀	学硕		副导师
3					
4					

II-7 概述本人在教学和科研中的贡献和成果

（包括但不限于本人的主要研究方向或领域，取得的成果——主要完成项目、发表论文、专著、专利、获奖情况的意义或影响；培养研究生的人数和质量；主讲课程、编写教材等情况）

本人目前主要研究方向为基于多组学高通量测序技术的表观遗传学研究、单细胞组学研究、基因转录（后）调控研究和三维基因组构象研究。

在最近几年，本人主导开发了ChIA-PET2、HiCDB等分析高通量染色质相互作用数据的生物信息学方法，并参与开发了BL-Hi-C高通量实验技术和3CPET算法，在染色质相互作用高通量测序数据的产生、分析和研究方面，取得一些进展。近五年来，本人在Nucleic Acids Research, Nature Communications, Genome Biology等杂志发表论文7篇。

本人参与了多项国家自然科学基金项目，包括人胚胎干细胞诱导分化为原生殖细胞过程中的DNA甲基化重编程研究和4D基因组测序技术与生物信息学方法研究。同时，本人作为骨干成员参与深圳市孔雀团队（陈炜教授为团队负责人）的申报，目前已通过现场考核，待批复。

III 审核意见

申请人承诺：

申报表中所填信息真实可靠，若有虚假本人负责。

申请人签名：

日期：

院系学位评定分委员会审核意见：

分委会主席（或评审小组组长）签名：

日期：

校学位评定委员会审核意见：

主席（签章）：

日期：